

En
2018

le projet européen MetaHIT a permis d'identifier l'ensemble des génomes microbiens intestinaux (métagénome) par séquençage haut débit.

UN ÉCOSYSTÈME UNIQUE FORMÉ
DÈS LA NAISSANCE

DE QUOI PARLE-T-ON ?

Le **microbiote** est l'ensemble des micro-organismes (bactéries, virus, parasites, champignons non pathogènes, dits « commensaux ») hébergés par le corps humain. Le microbiote intestinal contient la plus importante communauté bactérienne.

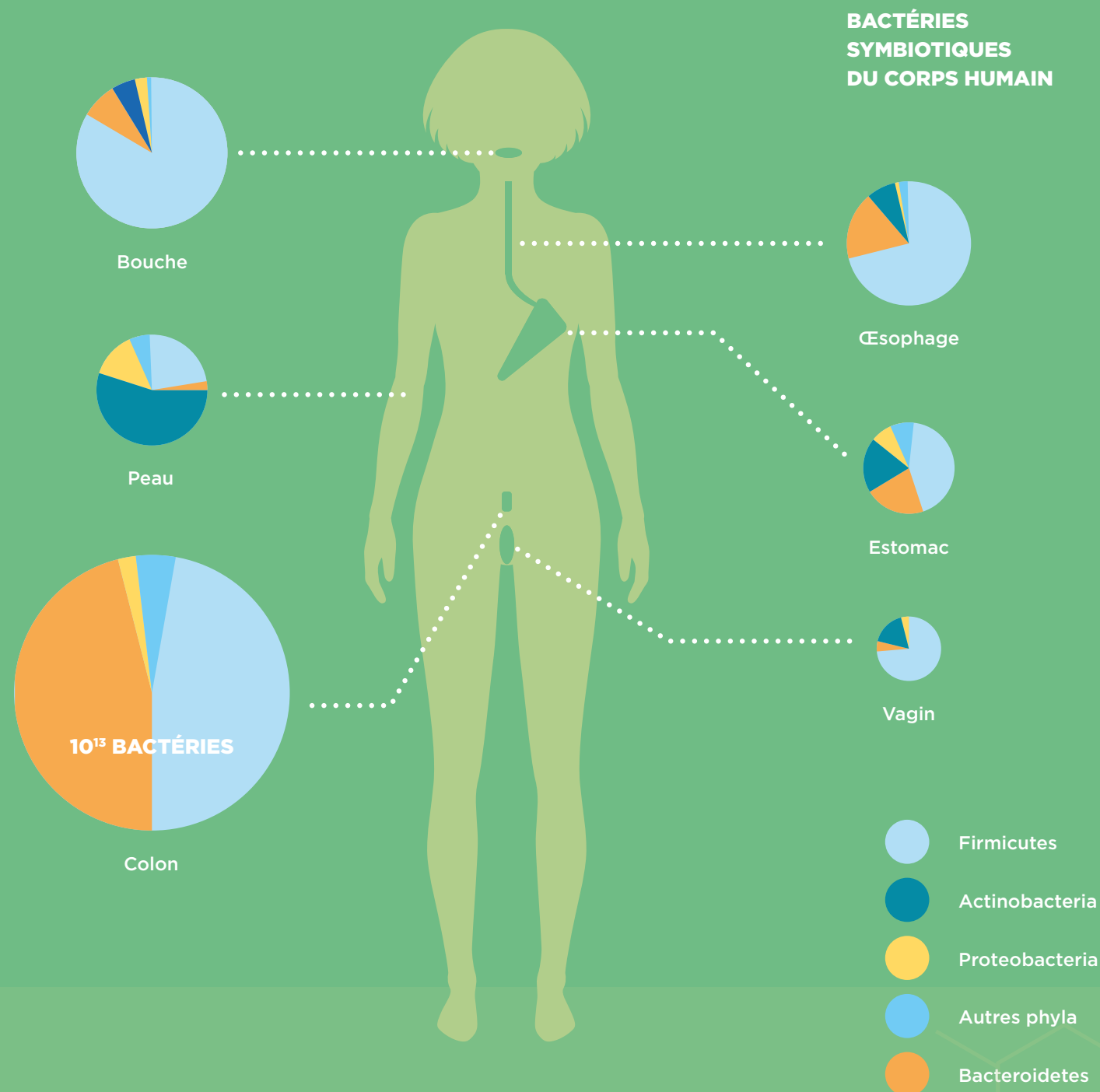
LE MICROBIOTE INTESTINAL EN CHIFFRES

10¹³ bactéries
virus et surtout phages (n'infectant que les bactéries), champignons

De **300 à 500 espèces**
par individu parmi un total de 1500 à 2000 espèces répertoriées dans les fèces humaines

De **500 000 à 600 000 gènes**
bactériens par individu au sein d'un catalogue répertorié de plus 10 millions de gènes bactériens (à comparer aux 22 000 gènes du génome humain)

Source : Dethlefsen et al., Nature, 2007



Microbiote : le deuxième cerveau va-t-il permettre de mieux soigner les patients ?

De plus en plus d'études montrent une corrélation entre la diversité du microbiote, le mode de vie et la survenue de pathologies inflammatoires ou métaboliques chroniques. Ces dernières années, les recherches dans ce domaine ouvrent de nouvelles voies prometteuses pour comprendre l'origine de nombreuses maladies, notamment le diabète.